

TUESDAY POSTER SESSION

Código	Names	Affiliation	Title	SALA
A3	Bruno Francisco Rodrigues de Oliveira	Federal University of Rio de Janeiro (Brazil)	One from the mother, the other from the daughter: a genomic survey of two <i>Vibrio</i> strains isolated from different life stages of the marine sponge <i>Plakina cyanorosea</i>	
A4	Karla Cautivo-Reyes	Murdoch University (Australia)	<i>Clostridium difficile</i> in Western Australian native animals: Prevalence and molecular epidemiology.	
A5	Leslie M. Montes-Carretero	Universidad Autónoma del Estado de Morelos (México)	Gut microbial community and their potential role in the Volcano rabbit ( <i>Romerolagus diazi</i> )	
A6	Juliana María Ruiz Barrionuevo	Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, Universidad Nacional de Tucumán (Argentina)	Biological effects and differences on the gut microbiome of <i>Galleria mellonella</i> larvae consuming plastics	Room 1a
A7	Luis Acevedo-Márquez	University of Puerto Rico, Medical Sciences Campus	Specific Pathogen Free and Conventional primates differ in microbiota composition and diversity	
A8	Diego Dierick	Universidad de Costa Rica	Exploring the gut microbial community associated with herbivorous hosts in Costa Rica	
A9	Jesús Mateo Amillano Cisneros	Universidad Michoacana de San Nicolás de Hidalgo (México)	Efectos de probióticos y prebióticos en el crecimiento y la microbiota intestinal del pez blanco <i>Chirostoma estor</i> endémico del altiplano mexicano.	
A11	Marileyxis López	Universidad Mayor (Chile)	Characterization of dinoflagellate communities in marine sponges and seawater in Fildes Bay, Antarctic Peninsula	
A20	Osiris Gaona	Universidad Nacional Autónoma de México	Characterization of the intestinal microbiome of <i>Tapirus bairdii</i> from the Yucatan Peninsula, Mexico	
A21	Ruth Hernández	Universidad de los Andes (Colombia)	Studying the bacterial diversity of the rumen at high resolution	
B2	Luanny Fernandes	Universidade Federal Fluminense (Brazil)	The influence of the Doce river mouth on the microbiome of nearby coastal areas three years after the Fundão Dam failure, Brazil.	
B3	Nailah Ahmed	Universidade de São Paulo (Brazil)	Metagenome-assembled genomes from glacier retreat areas in King George Island	
B4	Maria Camila Escobar Restrepo	Amazonian Scientific Research Institute SINCHI (Colombia)	Taxonomic bacterial composition and Hg-functional genes change according to mercury distribution across a transect of the Caquetá river in Colombia Amazon region	Room 2a
B5	Florencia Bertoglio	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Uruguay)	Bacterias acuáticas como indicadores de cambio ambiental en lagos de la Península Fildes (Antártida)	
B6	Martín Saraceno	IEGIBA – UBA/CONICET (Argentina)	Estudio de condicionantes urbanos y ambientales sobre la ocurrencia de patógenos en una red hidrológica de arroyos con un elevado grado de contaminación	
B7	Francisco L. Massello	CINDEFI (Argentina)	Análisis de ocurrencia de filotipos tras la exposición a metales pesados en enriquecimientos de una muestra ambiental del Río Agrio, Argentina	
B17	Viviana Starevich	CINDEFI - CONICET - UNLP (Argentina)	Estudio de la actividad degradadora anaeróbica de hidrocarburos en sedimentos de agua dulce con hidrocarburos	
B18	Lorraine Vélez-Torres	University of Puerto Rico - Medical Sciences Campus	Effect of Hurricane María on Fungal Communities in Water-Exposed Homes in San Juan, Puerto Rico	
B19	Eduardo J. Aguilar Rangel	Universidad Nacional Autónoma de México	Ecological and evolutionary correlation of amo genes	
B20	Dinka Ivulic	Universidad de Chile	Comunidades bacterianas en aerosoles ambientales en granjas de pollos Broiler	Room 3a
B21	Clovis Daniel Borges	University of São Paulo (Brazil)	A multidimensional approach in modulating mammal enclosure to determine plant-microbial interactions and greenhouse gas emissions in the Atlantic Forest	
B23	Esteban Palacio Pérez	Universidad EIA (Colombia)	Biomasa microbiana y respiración basal en turba de humedales de alta montaña en la Cuenca Alta del Río Claro en el Macizo Volcánico Ruiz-Tolima	
B25	Luisa Alzate-Ruiz	Rothamsted Research, El Bosque University (Colombia)	In silico analysis for identification of microbial profiles linked to potential Chromium (VI) remediation.	
D3	Francisco L. Massello	CINDEFI (Argentina)	Biosorción de cadmio y cinc por dos especies del género <i>Bacillus</i> provenientes de la región volcánica Cavihue-Copahue, Argentina	
D4	Micaela Gallicet	Centro de Investigación y Desarrollo en Fermentaciones Industriales (CINDEFI) – CONICET (Argentina)	The application of natural muds and their extreme microbial communities in the remediation of heavy metals	
D5	Aixa Sarmiento Tovar	Universidad de La Sabana (Colombia)	Bioproduction and bioactivity of <i>Streptomyces</i> pigments isolated the Guaviare and Arauca rivers (Colombia)	
D6	Jéssyca Silva	Universidade Federal do Rio de Janeiro (Brazil)	Biosurfactant and bioemulsifier activities from marine sponge-associated bacteria collected in Rio de Janeiro, Brazil	Room 4a
D7	Carolina Rubiano Labrador	Universidad Tecnológica de Bolívar (Colombia)	Cartagena mangroves: reservoir of bacteria with biotechnological potential	
D8	Vitoria Barros	Universidade Federal do Rio de Janeiro (Brazil)	Potencial de leveduras marinhas na produção de biosurfactantes	
D9	Ana Agnello	Centro de Investigación y Desarrollo en Fermentaciones Industriales (CINDEFI) – CONICET-UNLP (Argentina)	Biological contribution of composting and phytotechnologies to manage solid wastes of petroleum industry after chemical oxidation	
D10	Stephanny Sánchez-Vargas	Universidad Nacional de Costa Rica	Antimicrobial activity of mangrove-associated fungi from the Tropical Pacific of Costa Rica	
D19	Jonathan Fortt	Universidad Católica del Norte (Chile)	Efecto de cepas nativas del norte de Chile sobre los mecanismos implicados en la tolerancia a estrés salino e hídrico en plantas de lechuga.	
D20	Cecilia Ghiazza	Facultad de Química, Universidad de la República (Uruguay)	Dinámica y persistencia de indicadores de contaminación fecal microbianos y virales en lodos y biosólidos de Plantas de Tratamiento de Aguas Residuales	
D21	Nelly Diaz	CorpoGen (Colombia)	Formulation of an Alternative medium for the growth of the cellulolytic fungus <i>Trichoderma</i> spp.	
D24	Angeline Saadoun	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Argentina)	Desarrollo de consorcios microbianos para la biorremediación de suelos y aguas contaminadas con hidrocarburos provenientes de combustibles fósiles	Room 5a
D25	Milko Jorquera	Universidad de La Frontera (Chile)	Salt-induced stress tolerance during wheat seed germination is improved when <i>Variovorax</i> sp. strain P1R9 is applied as part of bacterial consortia	
D26	ximena Báez	Universidad Técnica Federico Santa María (Chile)	Bioinformatic analysis of oxidative stress genes and salt stress genes in hydrocarbon degrading strains <i>Rhodococcus</i> sp. ICBD2 and <i>Acinetobacter radioresistens</i> DD78	
D27	Constanza Macaya Ramos	Universidad Técnica Federico Santa María (Chile)	Protective role of choline in <i>Acinetobacter radioresistens</i> DD78 during hydrocarbons degradation under saline conditions	
D28	Jeysson Sanchez-Suárez	Universidad de La Sabana (Colombia)	Discovering <i>Eunicea fusca</i> -derived actinobacterial isolates with a potential photoprotective capability	
D37	Maria Clara De La Hoz Romo	Universidad de La Sabana (Colombia)	EVALUACIÓN DE LA ACTIVIDAD ANTIBACTERIANA DE EXTRACTOS DE ACTINOBACTERIAS MARINAS FRENTE A <i>Staphylococcus epidermidis</i>	
D38	Julian Wissner	University of Stuttgart (Germany)	A customized toluene dihydrogenase platform for the production of cis-1,2-dihydrocatechol in <i>Escherichia coli</i> BW25113 lacking glycerol dehydrogenase activity	
D40	Silvio Lopez	Universidad Antonio Nariño (Colombia)	<i>Bacillus thuringiensis</i> PARASPORIN-6 ASSOCIATIONS IN THE CONTEXT OF UTERINE CANCER	
F1	Kattia Nuñez-Montero	Universidad de La Frontera (Chile)	An antarctic <i>Rahnella</i> inusitata shows polyextreme adaptability and cold-active $\beta$ -galactosidase enzymes based on genomic analysis.	Room 6a
F2	Montserrat Arciénaga	Universidad Nacional de La Plata (Argentina)	Drenajes ácidos en pasivos mineros de la Puna Argentina: microorganismos responsables y su inhibición	
F3	Juan Castro-Severyn	Universidad Católica del Norte (Chile)	Tracking arsenic metabolism in the Salar de Huasco - Altiplanic environment, via genome-resolved metagenomics.	
F4	Cecilia Bernardelli	Facultad de Ciencias Exactas, UNLP, Argentina y CINDEFI, Conicet (Argentina)	Biogeoquímica en el Río Amarillo: rol de microorganismos autótrofos y heterótrofos	
F5	Maira Nayeli Luis Vargas	Universidad Nacional Autónoma de México	Análisis de las comunidades procariontes de tapetes microbianos y estructuras órgano-sedimentarias asociadas de cuevas pseudokársticas en la Sierra del Chichinautzin, México.	
F6	Kimberly Agüero	Universidad Nacional de Costa Rica	Diversidad y distribución del filo Chloroflexi en tapetes microbianos de 14 fuentes termales de Costa Rica	
F7	Eliza Jara-Negrete	University of Liège (Bélgica) - Pontificia Universidad Católica del Ecuador	First steps in the quest for actinobacteria in Ecuadorian Amazon oil-ponds	
F8	RODOLFO MENES	Universidad de la República (Uruguay)	<i>Frigiflavimonas asaccharolytica</i> gen. nov. sp. nov., isolated from Antarctica	
F10	Nicolas Napolitano	CONICET (Argentina)	CRISPR-CAS tipo IVB en <i>Rhodococcus</i> sp. cepa ADH, una actinobacteria aislada de la Antártida	
F11	Jaime Alcorta	Pontificia Universidad Católica de Chile	Novel hot spring cyanobacterial genomes from metagenomes unveils genetic adaptations to the high temperature environment	Room 7a
F12	Rocio J Alcántara-Hernández	Institute of Geology, National Autonomous University of Mexico (UNAM)	In the dark: microorganisms of microbial mats and terrestrial stromatolites in lava tubes.	
F13	Bárbara Robles	Pontificia Universidad Católica de Valparaíso (Chile)	Análisis del metagenoma de una poza hidrotermal del sistema Lirima, Chile: una nueva fuente de compuestos promotores del crecimiento vegetal	
F14	Hermes Hernán Bolívar-Torres	Universidad Nacional Autónoma de México	Genomic diversity of thermoacidophilic bacteria from the azufres geothermal field and their implications in biotechnology and astrobiology.	
I1	Nguyen Esmeralda López Lozano	Instituto Potosino de Investigación Científica y Tecnológica (México)	The seed-associated microbiome of four cactus species from Southern Chihuahuan Desert	
I2	Diego Garfias Gallegos	Langebio-Cinvestav (Argentina)	Genomics of cycads' coraloid-root bacterial microbiome suggests adaptation from bacterial symbionts allowing holobiont to thrive in contrasting environments	
I3	Vanessa Reyes Loaiza	Universidad Javeriana – Sede Cali (Colombia)	Análisis del microbioma endófito bacteriano radicular y su relación con el comportamiento hospedero-dependiente de la bacteria endófito diazotrófica SOG26 durante la interacción con las especies <i>Oryza glumepatula</i> y <i>Arabidopsis thaliana</i>	
I4	Ciro Félix	Universidade Federal de Alagoas (Brazil)	Elevada beta-diversidade nas comunidades de leveduras cultiváveis em folhas e frutos de <i>Bromelia</i> sp. na Floresta Tropical Seca no Nordeste do Brasil	Room 8a
I5	Darlyn Pontigo	Universidad de Santiago de Chile	Caracterización química de sobrenadantes de un aislado de cianobacterias con efecto promotor del crecimiento de la gramínea <i>P. australis</i>	
I6	Victor Daniel Firmino dos Santos Tavares	Universidade Federal de Alagoas (Brazil)	Comunidade de leveduras do filo plano e a predileção por hábitos de vida em Bromeliaceae	
I7	Mateo Córdoba Agudelo	Universidad de Antioquia (Colombia)	Análisis de comunidades bacterianas rizosféricas asociadas a dos genotipos de <i>Persea americana</i> cv. Hass, en dos localidades del Departamento de Antioquia, Colombia.	
I8	MARIA DEL MAR ALGUACIL	Estación Experimental del Zaidín (España)	Simulated climate change in a semiarid shrubland decreased the phylogenetic diversity of arbuscular mycorrhizal fungal communities	
J1	Valentín Pérez-Hernández	Tecnológico Nacional de México/Instituto Tecnológico de Tuxtla Gutiérrez, Chiapas (México)	Aerobic methanotrophic bacteria in saline-alkaline soil of the former lake Texcoco, Mexico	
J3	Sergio Pardo-Díaz	AGROSAVIA (Colombia)	Inoculation with endophytic PGPB improves plant growth and quality, and modulates the rhizosphere bacterial community of an intercropping system	
J4	Maria Serrano	Universidad Simón Bolívar (Colombia)	The effect of agricultural practices on the soil microbiome in Colombian Caribbean tropical dry forest	
J5	Karen Santaren	Universidade Federal do Rio de Janeiro (Brazil)	Greenhouse gases fluxes associated with the compositional and functional dynamics of bacterial communities in response to rain on pasture soils	Room 9a
J6	Laura Rengifo Cajias	Universidad del Rosario (Colombia)	Fungal root endophytes of tropical pioneer plants from a premontane forest in Colombia	
J7	Juan David Sanchez Tello	Universidad del Rosario (Colombia)	How ectomycorrhizal communities vary from natural to urban ecosystems: <i>Quercus humboldtii</i> as a study case in the tropical Andes	
J9	Micaela Boenel	IPATEC – COMAHUE – CONICET (Argentina)	Levaduras y actinobacterias rizosféricas tolerantes a salinidad y sequía de la estepa Patagónica	
J10	Lorena Rodríguez-Orduña	Tecnológico de Monterrey (México)	Comparative genomics of environmental isolates of <i>Nocardia</i> and <i>Streptomyces</i> from contrasting environments	
J19	Georgina Conti	Universidad Nacional de Córdoba (Argentina)	Los hongos micorrízicos arbusculares aumentan la fertilidad del suelo en agroecosistemas: resultados desde una aproximación meta-analítica	
J21	Pedro Feria	Universidad Nacional de Colombia – Sede Medellín	Characterization of a high cadmium accumulation soil bacterium isolated in <i>Theobroma cacao</i> crops with geogenic cadmium levels	
J22	LAURA NATALI AFANADOR BARAJAS	Centro de Investigación y de Estudios Avanzados del IPN, CINVESTAV (México)	Efecto de la aplicación de un biofertilizante sobre estructura de la comunidad bacteriana del cultivo de maíz ( <i>Zea mays</i> L.)	
J23	Deisi Navroski	University of São Paulo (Brazil)	Monitoring soil microbiota in a forest restoration chronosequence in the Atlantic Forest	Room 10a
J28	César Marín	Institute of Botany, The Czech Academy of Sciences (Czech Republic)	Chilean blind spots in soil biodiversity and ecosystem function research	
J25	Daymara Sánchez Castro	Universidad de La Habana (Cuba)	Solubilización y mineralización de fósforo por cepas del género <i>Bacillus</i> .	
J26	Aline Giovana da França	Luiz de Queiroz College of Agriculture - ESALQ/USP	Soil microbial communities' responses to deforestation and reforestation processes in the Eastern Amazon	
J27	Siu Mui Tsai	Center for Nuclear Energy in Agriculture/University of Sao Paulo (CENA/USP)	The conversion burnt-to-green harvest in sugarcane promotes microbial functional diversity and soil organic matter resilience	
K5	Anna Luiza Bauer Canellas	Federal University of Rio de Janeiro (Brazil)	Diving into the unknown: identification of antimicrobial resistance hotspots in a tropical urban estuary	
K6	Camila Castillo-Vilcahuaman	Universidad Peruana Cayetano Heredia (Perú)	Caracterización de las comunidades microbianas del río Rimac utilizando 16S rRNA metabarcoding	
K7	Lucas Ferreira	University of São Paulo (Brazil)	Characterization of plastsphere associated with plastic polymers during biofilm succession in the coastal Southwest Atlantic of Brazil	
K8	Ana Carolina Butarelli	University of São Paulo (Brazil)	Diversity of culturable methane-oxidizing bacteria from deep sediments of the Southwest Atlantic Ocean	Room 11a
K9	Rocio Azcatl	Centro de Investigación Científica y de Educación Superior de Ensenada, Baja California (México)	Síntesis de halometanos en la cuenca del Sur de California: ¿Qué papel juegan las distintas variables bióticas y abióticas en este sistema?	
K10	Jonathan Parra	University of Strathclyde (UK)	A multi-omics approach to assess the chemical ecology of <i>Pseudonocardia</i> spp. from marine sediments	
K11	Layla Mayer Fonseca	Universidade Federal de Juiz de Fora (Brazil)	Bacteria and seston in tropical reservoirs from different latitudes present similar carbon to nutrients ratio	
K12	catherine opitz rios	Universidad San Sebastián (Chile)	Microbial signature in urban wetlands of Llanquihue and Puerto Montt, Chile	
K21	Kimberly Guapi	Pontificia Universidad Católica del Ecuador	Caracterización fenotípica de microalgas y cianobacterias de los ríos aportantes del embalse altoandino Succus, Cordillera Real del Ecuador	
K23	Julieta Bianchelli	Universidad Nacional del Noroeste de la provincia de Buenos Aires (Argentina)	Temporal dynamics of <i>Legionella</i> (Proteobacteria, Legionellaceae) in a Pampean shallow lake	
K24	Alberto N. Arroyo	Centro de Investigación Científica y de Educación Superior de Ensenada (México)	Patrones de distribución de metabolismos fotoheterotróficos en comunidades microbianas del mar Mediterráneo	
K25	ICARO ZAPPAROLI	Federal University of São Carlos – UFSCAR (Brazil)	Fluorescent dissolved organic matter produced by freshwater phytoplankton axenic cultures	
K26	Facundo Lepillanca	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Argentina)	Predicción de la abundancia de células tóxicas de colonias de <i>Microcystis</i> spp. mediante remote sensing	Room 12a
K27	Laura Velandia Pérez	Grupo de investigación Manejo Integrado de Ecosistemas y Biodiversidad XIUA, Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia	Relación entre la abundancia del bacterioplancton y la presencia de trucha arco iris, experimentación in situ	
K28	NOHORA MILLÁN	Universidad Jorge Tadeo Lozano (Colombia)	Bacterias epifitas y endófitas aisladas de macroalgas marinas de la especie <i>Ulva lactuca</i> .	
K29	Gabriela Martínez de la Escalera	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Argentina)	Selección de genotipos tóxicos de <i>Microcystis</i> en ecosistemas eutróficos: temperatura, turbidez y conductividad como variables más relevantes	
K38	María BEJARANO SUTA	Universidad Militar Nueva Granada (Colombia)	Detección de genes de nitrato y óxido nítrico reductasa en bacterias desnitrificantes del humedal Santa María del Lago.	
K40	Patricio Flores	Universidad Mayor (Chile)	Identification of Secretion Systems in bacterial strains isolated from Antarctic Sponges.	
K41	Carolline Fazolato	Federal University of Rio de Janeiro – UFRJ (Brazil)	Assessment of oil degrading multi-domain microbial consortium immobilized in calcium alginate applied in microbial mesocosms	
K42	Mariela Guajardo	Universidad Mayor (Chile)	De novo transcriptome comparison of <i>Minidiscus</i> spp. from the English Channel and Antarctica coastal waters.	Room 13a
K43	Alice Moura Emílio	University of Sao Paulo (Brazil)	Diversity and distribution of ammonia-oxidizing archaea in Santos Basin	
K45	José Carlos Parada Fabián	Universidad Nacional Autónoma de México	Diversidad microbiana aislada de sedimentos y esponjas presentes en cenotes de la península de Yucatán con potencial biotecnológico	
K46	Patricia Aguila-Torres	Universidad Austral de Chile	Microplastics associated to bacterial communities from surface seawater of the Northern Chilean Patagonia	
K47	Natalia Segura	Universidad de la Salle (Colombia)	Relación del ensamblaje fitoplanctónico con tres sustratos naturales en un tramo del Río Dulce – Sasaima, Cundinamarca.	
L6	Natalie M. Melendez-Vazquez	University of Puerto Rico, Medical Sciences Campus	Gut bugs matter to viroimmunotherapy: bacterial changes associated to the efficacy of Delta-24-RGDOX against glioblastoma	
L8	Laura Salazar-Jaramillo	Vidarium centro de investigación en nutrición, salud y bienestar (Colombia)	Evaluation of two DNA markers for improving the resolution of microbial diversity in a Colombian population	
L9	Juan Pablo Cardenas	Center for Genomics and Bioinformatics, Universidad Mayor (Chile)	New insights into taxonomic and genetic diversity of the <i>Blautia</i> genus, found by a phylogenomic approach	Room 14a
L10	Frances Vazquez-Sanchez	Comprehensive Cancer Center, University of Puerto Rico	Differential Microbiota of HPV and Non HPV related Penile Cancer	
L11	Luz Oleyda Tapasco Tapasco	Universidad de Caldas (Colombia)	Modulación de la microbiota intestinal mediante protocolo de hidroterapia de colorín en mujeres jóvenes con sobrepeso	
L12	Andrés Balbín Hernández	Universidad de Costa Rica	Situación de la investigación en microbioma humano en América Latina: una revisión bibliométrica 2015-2020	



**WEDNESDAY POSTER SESSION**

Código	Names	Affiliation	Title	SALA
A12	Lymarie Díaz Díaz	University of Puerto Rico, Río Piedras	Microbial community profiles associated with the sea cucumber <i>Holothuria glaberrima</i> 's regenerating gut.	Room 1b
A13	Lina Marcela Botero Rute	AGROSAVIA (Colombia)	Mejoramiento de la cultivabilidad de bacterias anaerobias ruminales mediante el uso de una estrategia de cultivo alternativa.	
A14	Loreley Castelli	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Uruguay)	Impacto del herbicida glufosinato de amonio, en la microbiota intestinal e inmunidad de las abejas melíferas	
A15	Luciana Raggi	Instituto de Investigaciones Agropecuarias y Forestales, Universidad Michoacana de San Nicolás de Hidalgo (México)	Microbiota dynamics in a unique intestinal teleost model: <i>Chirostoma estor</i>	
A16	Nickole Villabona	Universidad de los Andes (Colombia)	First gut microbiota Characterization of Neotropical Bees	
A17	Emanuel Martínez-Ugalde	Centro de Ciencias Genómicas, Universidad Nacional Autónoma de México	<i>Ambystoma altamirani</i> skin microbiome is highly influenced by host developmental stage and seasonality but not by pathogen presence.	
A18	Antonia Ramos	Universidad de Chile	Functional zebrafish microbiome as revealed by global proteomic profiling of control and infected larvae	
A19	Diego Rojas	Centro Nacional de Innovaciones Biotecnológicas (Innovación de Costa Rica), Laboratorio Nacional de Nanotecnología	Micrococcales dominate the microbiome in sloths hair and may act as a defense mechanism against bacterial pathogens	
B8	Wellington Felipe Costa	Federal University of Rio de Janeiro (Brazil)	Association of gram-negative bacilli harboring extended-spectrum beta-lactamases with fecal contamination in waters from an urban tropical estuary	Room 2b
B10	Karina Verdel-Aranda	Tecnológico Nacional de México, Instituto Tecnológico de Chiñá	Study of bacterial diversity for bioprospecting on Calakmul wetlands using comparative genomics and metagenomics	
B11	Bruno Nascimento	Universidade Federal de Alagoas (Brazil)	Diversidade de <i>Aureobasidium</i> spp. em bromélias de uma região semiárida no Nordeste do Brasil	
B12	Alejandra Arenas Taborda	Universidad de Antioquia (Colombia)	Recambio del ensamble de myxomycetes a lo largo de un gradiente altitudinal y de humedad en Costa Rica	
B13	Aracely Zambrano-Romero	Instituto de Microbiología, Universidad San Francisco de Quito (Ecuador)	Microbial dynamics in an engineered sulfate reducing environment during the bioprecipitation of copper and zinc	Room 2b
B14	Valentina Machin	Universidad de la República (Uruguay)	Diversidad de arqueas metanogénicas en sedimentos lacustres antárticos y efecto de la temperatura sobre la actividad potencial	
B15	Carla Barbosa	Universidad de Chile	Effect of Hydrogeochemistry on Microbial Communities in Hot Springs from Geothermal Areas	Room 3b
B16	Andres Cumsille	Universidad Técnica Federico Santa María (Chile)	Comparative genomics in the Genus <i>Brevibacterium</i>	
C1	Daniel Nariño Rojas	University of York (UK)	The efficacy and evolution of phage therapy in model cystic fibrosis lung environment	
C2	Virginia Patricia Bustos	Centro de Ciencias Genómicas UNAM (México)	A search for phages and prophages in the rhizosphere of common bean ( <i>Phaseolus vulgaris</i> ).	
C3	Víctor González	Centro de Ciencias Genómicas UNAM (México)	New lineage of single stranded DNA virus that infects the symbiotic bacteria <i>Rhizobi</i>	Room 3b
C4	Julia Plewka	University Duisburg-Essen (Germany)	Globally ubiquitous viruses in oil reservoirs refute burial and isolation theory	
C5	Rosa I. Santamaría	Centro de Ciencias Genómicas, Universidad Nacional Autónoma de México	Genomic relationships between phages and prophages of the symbiotic bacteria <i>Rhizobium</i> .	Room 3b
C7	SANTIAGO HERNÁNDEZ VILLAMIZAR	Universidad de los Andes (Colombia)	La anaerobiosis como factor influyente en la interacción fago-hospedero	
D1	César Aguilar	Purdue University (USA)	Convergent evolution of <i>Streptomyces</i> protease inhibitory activities via divergent peptide condensation mechanisms	
D2	Laura Silva	Universidad de La Sabana (Colombia)	Bioactivity of colored extracts from <i>Streptomyces</i> with potential cosmetic application	
D11	ELIANA MARCELA SOTO RUEDA	Universidad Nacional de Córdoba-Centro de Investigación en Ciencias de la Tierra- CONICET (Argentina)	Toxicidad y acumulación de arsénico en cultivos de <i>Rivularia halophila</i> , cianobacteria aislada de la Laguna Negra (Catamarca- Argentina).	Room 4b
D12	Ivan Avila-Leon	Universidad Antonio Nariño (Colombia)	Estudio del potencial biotecnológico del hongo <i>Trichoderma</i> sp, para degradar compuestos fenólicos, empleando lignina como fuente de carbono	
D13	Michel Geovanni Santiago-Martínez	Pennsylvania State University (USA)	Metabolic regulation of Methanogenesis and glycolysis in the marine archaeon <i>Glucosarcina acetivorans</i>	
D14	Susana Ochoa Agudelo	Colegio Mayor de Antioquia (Colombia)	<i>Pseudomonas</i> spp. aislados de aguas contaminadas con plomo, productor de sideróforos y screening de la actividad enzimática microbiana	
D15	Roberta Merguizo	Biosciences Institute, Coastal Campus of São Vicente, São Paulo State University – UNESP (Brazil)	DCPIP (Colorimetric method), determination of the ability of <i>Bacillus licheniformis</i> to biodegrade diesel S10 and AFFF - Aqueous Film-Forming Foam	
D16	Laura Chaparro	Universidad Libre (Colombia)	<i>Aspergillus</i> sp. y <i>Mucor</i> sp. como potenciales hongos degradadores de hidrocarburos	
D17	Miguel Beltran	Universidad de la Salle (Colombia)	Interacción entre el extracto de <i>Azadirachta indica</i> y el hongo <i>Metarhizium anisopliae</i> para el control biológico de <i>Anopheles albimanus</i> un vector de la malaria	
D18	Valeria Gómez Marín	CorpoGen (Colombia)	Screening of actinobacteria isolated from lichens for antimicrobial, cellulolytic and proteolytic activity	
D29	Mario Sepúlveda	Universidad Técnica Federico Santa María (Chile)	Diversity of polyhydroxyalkanoate synthases in bacteria of the order Burkholderiales	Room 5b
D30	Esli Lobaina	Universidad Técnica Federico Santa María (Chile)	Characterization of native <i>Trichoderma</i> strains from Valparaíso Region, Central Chile	
D31	Erika Martínez Ruiz	Technische Universität Berlin (Germany)	Genome analysis of two manganese-oxidizing bacteria suggests enzyme-mediated processes for manganese oxidation required for cytidine diphosphate transformation	
D32	Maria Fernanda Rodríguez Fonseca	Universidad de La Sabana (Colombia)	Evaluation of polyvinyl chloride biodegradation by freshwater-derived <i>Streptomyces</i> strains	
D33	Eliana Nervi	Laboratorio de Biotecnología, Facultad de Ingeniería, Universidad ORT (Uruguay)	Isolation and characterization of glyphosate-degrading bacteria (GDB) isolated from Uruguayan soils	Room 5b
D34	Leonardo Zamora-Leiva	Departamento de Química, Centro de Biotecnología Dr. Daniel Alkalay Lowit, Universidad Técnica Federico Santa María (Chile)	Integration of bioinformatic tools in a automatized workflow for the search of novel biosynthetic gene clusters	
D35	Paola Talía	CONICET/INTA (Argentina)	Cloning, expression and evaluation of a GH10 alkali xylanase from termite gut microbiomes	
D36	Ileana Sánchez Ortiz	Centro de Ingeniería Genética y Biotecnología de Camaguey (Cuba)	<i>Pseudoxanthomonas indica</i> cepa H32 como biofertilizante eficiente para los cultivos agrícolas de acelga, zanahoria y rábano	
E1	Luz Adriana Pedraza Herrera	Universidad Nacional de Colombia	Comparative genomics reveals <i>Bacillus velezensis</i> genes and their importance in the ecological relationship with plants	Room 6b
E3	Daniel Osorio	Universidad de Antioquia (Colombia)	Estandarización de una PCR en tiempo real para la detección de <i>Ralstonia solanacearum</i> filio IB4 a partir de muestras de suelo rizosférico	
E4	Rafael Barty Dextro	Universidade de Sao Paulo – USP (Brazil)	Exploring microbial production of mycosporine-like amino acids in metagenomes from soda lakes of Brazilian Pantanal	
E5	Maria Clara Arrieta Echeverri	Universidad EAFIT (Colombia)	Microbial chemical ecology of water kefir grains fermentation	
E7	Maurício Junior Machado	Superior School of Agriculture "Luiz de Queiroz" - University of São Paulo (Brazil)	Metabolic pathway of terpenes in metagenome-assembled genomes from Brazilian soda lakes	Room 6b
E9	Marcial Silva	Pontificia Universidad Católica de Chile	Cyanobacteria circadian mechanism: multicellularity and environment as a modulating factor.	
E10	Maria Fernanda Manrique De La Cuba	Universidad Mayor (Chile)	A novel pipeline for taxonomic and diversity analyses using QIIME 2	Room 7b
E11	Gabriel Silvestre Rocha	UNIRIO (Brazil)	Combining molecular primer design and ecological niche models for the arbuscular mycorrhizal fungi <i>Rhizophagus clarus</i>	
E13	Cristian Grisales	Universidad de Antioquia (Colombia)	Metabiome: A flexible and modular pipeline for metagenomic analysis	
G2	Carlos Díaz	Universidad de los Andes (Colombia)	Reconstrucción de modelos metabólicos a partir de los genomas ensamblados del metagenoma asociado un consorcio bacteriano lignocelulolítico.	
H1	Coral Pardo	Universidad Andres Bello (Venezuela)	Seasonal and spatial variability in microbial composition from sediments across the Altiplanic Salar de Huasco	Room 7b
H2	Carolina Ospina	Newcastle University (UK)	Valorisation of nitrogen-deficient wastewater treatment systems using sludge enriched with nitrogen-fixing bacteria	
H3	María V Quiroga	UNSAM-CONICET (Argentina)	High bacterial microdiversity within an Antarctic wetland complex	
H5	Patricia Valdespino	Lawrence Berkeley National Laboratory	Estudiar sistemas microbianos con bioimagen química acoplada a luz de sincrotrón	
H6	Ian Pérez	Universidad de La Habana (Cuba)	Caracterización taxonómica y fisiológico-bioquímica de cepas ambientales de <i>Cladospirium</i> conservadas ex situ	Room 7b
H7	Katerin Almendras	Universidad de Chile	Las bacterias asociadas a líquenes <i>Peltigera</i> del sur de Chile contribuirían a la simbiosis con la solubilización de fosfato	
H8	Yosbany Pérez	Universidad de Chile	Levaduras basidiomicetes en líquenes: ¿un nuevo componente de la simbiosis líquénica?	
H9	Karla Veas	Universidad de Chile	Taxones bacterianos claves en líquenes <i>Peltigera rufescens</i> creciendo en dos praderas en la región de Aysén, Chile.	
I9	Jonathan Maldonado	Pontificia Universidad Católica de Chile	Partners to survive: plant microbiome recruitment at the Atacama Desert	Room 8b
I10	Daniel Felipe Cruz Suárez	Universidad de la Salle (Colombia)	¿Afecta la endozoocoria la diversidad de bacterias endófitas en semillas?	
I11	Dario X. Ramirez-Villacis	Universidad San Francisco de Quito USFQ (Ecuador)	The rhizosphere microbiome of the Andean blueberry ( <i>Vaccinium floribundum</i> Kunth) is modulated by soil and plant genetics	
I12	Douglas Alfradique Monteiro	Federal University of Rio de Janeiro (Brazil)	The microbiome of the halophyte <i>Atriplex nummularia</i> (old man saltbush) in northeastern Brazil	
I13	Francisco Massot	Instituto Antártico Argentino – CONICET (Argentina)	Estudios de microbioma de raíz de <i>Deschampsia antarctica</i> para el diseño de estrategias de fitorremediación de hidrocarburos en suelos Antárticos	Room 8b
I14	Fernanda Jamel	University of São Paulo (Brazil)	Assessing major patterns and the core bacteriome of endophytic communities in plant species from globally different locations	
I15	Maria João Ferreira	University of Aveiro (Portugal)	Microbiome-metabolome relations in the halophyte <i>Salicornia ramosissima</i>	
I16	Jorge Sáenz-Mata	Facultad de Ciencias Biológicas de la Universidad Juárez del Estado de Durango (México)	Caracterización de rizobacterias promotoras de crecimiento vegetal aisladas de <i>Solanum elaeagnifolium</i> desarrollándose en suelos contaminados con metales pesados.	
J11	Yoelvis Sulbaran	Universidad Andrés Bello (Venezuela)	Antagonistic effect of <i>Bacillus</i> sp. isolated from agricultural soils against phytopathogenic fungi.	Room 9b
J12	Claudia Jaramillo	EAFIT (Colombia)	Using Isothermal microcalorimetry to measure cadmium-tolerant activity in soil microbial communities of cacao-growing farms in Colombia	
J13	Indira Quintero	Universidad de Panamá	Diversidad y taxonomía de comunidades bacterianas asociadas a suelo de dos manglares en la Bahía de Panamá	
J14	Natalia Fernández	IPATEC – CONICET, Universidad Nacional del Comahue (Argentina)	INFLUENCE OF PLANT GENETIC DIVERSITY ON RHIZOSPHERE FUNGAL COMMUNITIES ASSOCIATED WITH NOTHOFAGUS ALPINA ESTABLISHED UNDER A NATIVE FOREST AND AN EXOTIC PLANTATION	
J15	Luis Wall	University of Quilmes, Bernal, (Argentina)	Efecto de la agricultura por irrigación en las comunidades microbianas y las funciones de un suelo semiárido de la Patagonia.	Room 9b
J16	Griselda López	Center of Genomic Science, UNAM (México)	Microbiome transitions from soil to the rhizosphere of common bean ( <i>Phaseolus vulgaris</i> ).	
J17	Erika Vanessa Reyes Rojas	Universidad de la Salle (Colombia)	Actividad antifúngica de aceites de frutos de palmas <i>Oenocarpus batava</i> , <i>Cocos nucifera</i> , <i>Elaeis oleifera</i> , <i>Mauritia flexuosa</i> y <i>Acrocomia aculeata</i> frente a <i>Fusarium solani</i> .	Room 10b
J18	Luciana Pereira-Mora	Laboratorio de Ecología Microbiana Medioambiental, Departamento de Biotecnología, Facultad de Química, Universidad de la República (Uruguay)	Impacto del cultivo metano a arroz irrigado sobre la comunidad de bacterias y archaeas preantrópicas vinculadas a la fermentación de ácidos orgánicos	
J24	Vanessa Otero-Jiménez	Universidad Nacional de Colombia	Soil microbial community is influenced by rice straw incorporation strategy, altering carbon-cycling function	
J29	Natali Zamora	Pontificia Universidad Católica de Chile	Global diversity of desert soil prokaryotic diversity	
J31	Andrés Nicolás Rodríguez Romero	Universidad Nacional de Colombia	Continuous land use and fallow periods generate differential effects on the rhizospheric microbiome and greenbean production ( <i>Phaseolus vulgaris</i> L)	Room 10b
J35	Aldeci França	Universidade Federal de Alagoas (Brazil)	Diversity of cultivable yeasts associated with mangrove forest sediments in northeastern Brazil	
J37	Stalin Sarango	Universitet Leiden (Países bajos)	The rhizosphere microbiome of wild tomato in the Andean mountains	
K2	Bernardo Aguila Salgado	Universidad Nacional Autónoma de México	Cyanobacteria of microbialites of Cenote Azul and Bacalar Lagoon, Quintana Roo Mexico: A polyphasic characterization	
K3	Luis Manuel Bolaños Avellaneda	University of Exeter (UK)	Molecular Ecology of the North Atlantic Phytoplankton Spring Bloom	Room 12b
K4	Felix Andueza	Universidad Central del Ecuador	Antibiotic resistant bacteria isolate from volcanics lakes water in Ecuador	
K13	Estefany Villarreal	Centro de Investigación Científica y de Educación Superior de Ensenada (México)	Efecto de la disponibilidad de nutrientes sobre el bacterioplankton fotótrofo con proteorodopsinas en un sistema productivo costero	
K14	Simone Cotta	CENA/USP (Brazil)	Disentangling the bacterial metabolic-interactions on Brazilian soda lakes	
K15	Angie Díaz Ruiz	Universidad de Antioquia (Colombia)	Análisis de la redundancia funcional de la comunidad bacteriana de una planta de tratamiento de la ciudad de Medellín a lo largo de un ciclo anual, usando la herramienta de predicción funcional PICRUST2	Room 11b
K16	Natalia Bernal Hernández	Universidad de Antioquia (Colombia)	Discriminación de diferentes grupos de especialistas bacterianos en una planta de tratamiento de lodos activados, mediante el uso de análisis de redes de interacción.	
K17	Cynthia Jara	UNIVERSIDAD AUSTRAL DE CHILE	ANÁLISIS COMPARATIVO DE LA COMUNIDAD BACTERIANA ASOCIADA A DOS LINAJES DE LA DIATOMEA INVASORA, <i>DIDYMOSPHEA GEMINATA</i> UTILIZANDO QIIME Y DADA2.	
K18	Marcela Alejandra Bastidas Navarro	INIBIOMA-CONICET-UNCOMA (Argentina)	Bacterial community composition in shallow lakes from <i>Nothofagus pumilio</i> forest (Patagonia, Argentina)	
K19	Miguel Cuevas Cruz	Ensenada Center For Scientific Research and Higher Education (México)	Efecto de la luz en el metabolismo de la bacteria con rodopsina <i>Stakelama pacifica</i> BT527C	Room 12b
K20	Paula Vico	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Argentina)	Ecotipos de la cianobacteria <i>Raphidiopsis</i> , <i>Rubiacium</i> : más allá del individuo.	
K30	Andrés Ávila	Universidad de La Frontera (Chile)	Long-term composition of 16S-based bacterial communities associated with algal bloom events in northern Chile	
K31	Clara Arboleda-Baena	Pontificia Universidad Católica de Chile	Microbial communities network structure across strong environmental gradients: How do they compare to macroorganisms?	
K32	Carolina Croci	Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (Argentina)	Floraciones de <i>Microcystis</i> spp. en el Río de la Plata: temperatura como determinante del tamaño y la toxicidad	Room 14b
K33	Héctor Levipan	Universidad de Playa Ancha (Chile)	Rol ecológico de la formación de biopelículas por el patógeno de salmónidos <i>Piscirickettsia salmonis</i>	
K34	Lucas Gallart	Pontificia Universidad Católica de Chile	Descifrando las relaciones intra- e interdominio en biopelículas costeras	
K35	Thierry Pellegrinetti	University of São Paulo (Brazil)	Cyanobacteria mediated nitrogen transformations in tropical soda lakes	
K36	Andrea Bautista García	Universidad Autónoma de Baja California Sur (México)	Prokaryotic microbiota and biomineral microstructure in coralline algae reveal new ecological and conservation frontiers	Room 14b
K37	Jeny Adina Larrea Murrell	Biology Faculty, Havana University (Cuba)	Impacto de la contaminación sobre la actividad proteolítica en las aguas de los ríos Almendares y San Juan	
K48	María Francisca Luza-Miric	Universidad de Antofagasta (Chile)	Protists (sorting optimization from a wide salinity range polyextreme aquatic system, Salar de Huasco (Atacama Desert), suitable for genome sequencing.	
K50	Wendy Escobedo-Hinojosa	Universidad Nacional Autónoma de México	A 31P-NMR-based method for the detection of phosphonate compounds in aquatic samples	
K51	Albert Niño	UNIVERSIDAD NACIONAL DE COLOMBIA	Evaluación de la actividad lacasa en bacterias epifitas de macroalgas de la especie <i>Ulva lactuca</i> localizadas en Santa Marta (Caribe Colombiano)	Room 13b
K52	Lazaro Abdiel	University of Southern California (México)	Presence of Lactopsins in Culturable Bacteria: Genomic Characteristics, Taxonomic Patterns, And Environmental Distributions	
L1	Alejandra Hernández-Terán	Instituto Nacional de Enfermedades Respiratorias – INER (México)	Dysbiosis and structural disruption of the respiratory microbiota in COVID-19 patients with severe and fatal outcomes	
L2	Juan Sebastian Escobar	Vidarium, Nutrition, Health and Wellness Research Center (Colombia)	The effects of <i>Physalis peruviana</i> L. consumption on the gut microbiota of healthy men	
L3	Maria Cadavid Veléz	Vidarium—Nutrition, Health and Wellness Research Center, Grupo Empresarial Nutresa and Departamento de Ciencias Biológicas, Universidad EAFIT (Colombia)	Comparison of the variation of gut bacterial diversity marker genes in public genomes: a case study of the class <i>Clostridia</i>	Room 13b
L4	Angie Lorena Fonseca Fernández	Universidad Nacional de Colombia, Universidad de los Andes (Colombia)	Péptidos LL-37 y ATRA-1, potenciales alternativos frente a la resistencia antibiótica en <i>Staphylococcus aureus</i>	
E8	Natalia Rodríguez camargo	Universidad Colegio Mayor de Cundinamarca	MODELADO Y SIMULACIÓN DE CONSORCIOS MICROBIANOS PARA LA PRODUCCIÓN DE POLIHIDROXIALCANOATOS EMPLEANDO BALANCES DE FLUJO DINÁMICOS Y RESTRICCIONES TERMODINÁMICAS	
C6	Esthela Guerrero	Universidad San Francisco de Quito	The use of bacteriophages to control <i>Salmonella</i> in poultry operations	
D39	Diana Vela	Universidad Nacional de Colombia	Diversidad microbiana durante la biofiltración de H2S y NH3 en condiciones transitorias de concentración	Room 14b
F9	Federico Fasseta	Instituto Tecnológico Chascomus (INTECH)-CONICET-UNSAM	Caracterización metagenómica de la comunidad procarionta planctónica de lagunas hipersalinas de la región pampeana occidental, Argentina	
L7	Kimil Acosta	University of Puerto Rico - Medical Sciences Campus	Association of oral and environmental fungi with periodontal disease	
J32	Ana vasconcelos	Luiz de Queiroz College of Agriculture	Effect of Samarco's mine tailing on enzyme activities at Rio Doce estuarine top-and sub-soils	
D4	Micaela Gallicet	Centro de Investigación y Desarrollo en Fermentaciones Industriales (CINDEFI) - CONICET	The application of natural remedies and their extreme microbial communities in the muds of the Andean tundra	Room 14b
A4	Karla Cautivo	Murdoch University	<i>Clostridium difficile</i> in Western Australian native animals: Prevalence and molecular epidemiology.	
J13	Indira Quintero	Universidad de Panamá	Diversidad y taxonomía de comunidades bacterianas asociadas a suelo de dos manglares en la Bahía de Panamá	